

袁政，上海交通大学生命科学技术学院，教授

1、个人简介

男，博士，上海交通大学教授、博士生导师。中国植物生理与植物分子生物学学会理事（第十二届）；上海植物生理与植物分子生物学学会理事会理事（第十一届）；上海市农作物品种审定委员会粮食作物专业委员会委员（第七届）；上海种子行业协会专家委员会专家（第四届、第五届）；《植物生理学报》和《生物技术通报》编委。2005年毕业于中科院上海植物生理生态研究所，获得遗传学理学博士学位。2005年起在上海交通大学生命科学技术学院工作，任讲师、副教授（2009年）、教授（2016年）、致远荣誉教师（2017年）。2006年-2007年受英国皇家学会Royal Society Fellowship资助，到英国诺丁汉大学植物系进行了为期一年访问学习。主持了包括自然科学基金项目、国家转基因生物新品种培育重大专项、上海市科委重点基础研究计划等项目30多项。目前主要研究方向是水稻生殖发育的分子机理和水稻分子辅助育种；前期研究工作系统证明了植物激素茉莉酸信号途径是水稻花器官起始的发育信号，为阐明水稻花器官发育的分子调控网络提供了新的思路。申请育性、产量性状调控基因相关的国家发明专利32项，获得授权发明专利24项，实用新型专利2项。选育不育系3个，获得水稻新品种权4项、水稻新品种审定5项。在Nature Communications、Molecular Plant、Plant Biotechnology Journal、New Phytologist、Plant Physiology、Development、Plant Journal、Journal of Experimental Botany、Current Opinion in Plant Biology、Annual Review in Plant Biology等期刊发表论文40多篇。获得上海市科学技术进步奖一等奖1项（2012年），教育部自然科学奖一等奖1项（2017年），2016年度上海交通大学“SMC-晨星优秀青年教师（A类计划）”，2017年度上海交通大学“唐立新优秀学者奖”，2018年度上海交通大学烛光奖（二等奖）。

2、大学开始受教育经历

- 1) 2002年—2005年，中科院上海植物生理生态研究所，遗传学，研究生/博士，师从黄海研究员；
- 2) 1999年—2002年，江西农业大学农学院，农学，研究生/硕士，师从罗来水教授/肖德兴教授；

- 3) 1995年—1999年，江西农业大学农学院，园艺系，本科/学士，师从刘勇教授；

3、研究工作经历

- 1) 2016年—，上海交通大学，生命科学技术学院，教授，致远荣誉教师；
- 2) 2009年—2015年，上海交通大学，生命科学技术学院，副教授；教育部创新团队“植物发育及其与环境互作分子机制”成员；科技部创新人才推进计划重点研究领域“植物生殖发育和光温互作机理创新团队”成员；
- 3) 2007年—2008年，上海交通大学，生命科学技术学院，讲师；
- 4) 2006年—2007年，英国诺丁汉大学，植物系，访问学者；
- 5) 2005年—2006年，上海交通大学，生命科学技术学院，讲师；

4、社会工作经历

- 1) 2014年—2017年，上海交通大学，生命科学技术学院，院长助理。
- 2) 2011年—2013年，上海交通大学，生命科学技术学院，外事秘书。
- 3) 2010年—2012年，上海交通大学，生命科学技术学院，参与学院公共仪器平台建设。
- 4) 2010年—2013年，上海交通大学，生命科学技术学院，科普基地建设。
- 5) 2007年—2011年，上海交通大学，生命科学技术学院，基地班班主任。

5、社会兼职

- 1) 2022.4-2027.4，《生物技术通报》编委。
- 2) 2021.8-2026.8，第七届上海市农作物品种审定委员会粮食作物专业委员会委员。
- 3) 2020.1-2024.12，第十二届《植物生理学报》编委。
- 4) 2019.7-2024.7，中国植物生理与植物分子生物学学会理事（第十二届）。
- 5) 2018.12-2023.12，上海植物生理与植物分子生物学学会理事会理事（第十一届）。
- 6) 2018.4-2021.4，上海市上海中学“拔尖创新人才早期培育项目”导师。

- 7) 2017.6-2020.5, 上海交通大学生命科学与技术国家级实验教学示范中心双聘教师。
- 8) 2015.12-2024.12, 上海种子行业协会专家委员会委员 (第四、第五届)。
- 9) 2014.10-2020.12, 江苏省区域现代农业与环境保护协同创新中心项目负责人。

6、主要研究方向

- 1) 茉莉素调控水稻生殖发育的分子机理
- 2) 水稻生殖发育期干细胞活性调控的机理
- 3) 水稻杂种优势的分子机理及分子设计育种

7、发表论文

<https://orcid.org/0000-0003-1254-0410>

1) 期刊论文

- (1) Li XQ, Li R, **Yuan Z**, Zhu ZB, Xu WT, Wang YJ, Zhang DB, and Yang LT*. One versatile Cas9-integrated single-tube duplex quantitative real-time PCR system for rapid analysis of CRISPR/Cas-induced mutants. *Anal Chem*. 2022, 94(30): 10832-10840.
- (2) Zong J[#], Wang L[#], Zhu L[#], Bian LL, Zhang B, Chen XF, Huang GQ, Zhang XL, Fan JY, Cao LC, Coupland G, Liang WQ, Zhang DB, **Yuan Z***. A rice single cell transcriptomic atlas defines the developmental trajectories of rice floret and inflorescence meristems. *New Phytologist*. 2022, 234(2): 494-512. (*通讯作者)
- (3) Li SQ[#], Cao LC[#], Chen XF, Liu YL, Persson S, Hu JP, Chen MJ, Chen ZB, Zhang DB, **Yuan Z***. A synthetic biosensor for mapping dynamic responses and spatio-temporal distribution of jasmonate in rice. *Plant Biotechnology Journal*. 2021, 19(12): 2392-2394. (*通讯作者)
- (4) Cao LC, Tian JQ, Liu YL, Chen XF, Li SQ, Persson S, Lu D, Chen MJ, Luo ZJ, Zhang DB, **Yuan Z***. Ectopic expression of OsJAZ6, which interacts with OsJAZ1, alters JA signaling and spikelet development in rice. *The Plant Journal*. 2021, 108(4): 1083-1096. (*通讯作者)

- (5) Sun LL[#], **Yuan Z[#]**(并列第一), Wang DX, Li J, Shi JB, Hu YY, Yu J, Chen XF, Chen SX, Liang WQ, Zhang DB[†]. Carbon Starved Anther modulates sugar and ABA metabolism to protect rice seed germination and seedling fitness. *Plant Physiology*. 2021, 187(4):2405-2418.
- (6) Hu Y, Wang L Jia R, Liang WQ, Zhang XL, Xu J, Chen XF, Lu D, Chen MJ, Luo ZJ, Xie JY, Cao LM, Xu B, Yu Y, Persson S, Zhang DB, **Yuan Z^{*}**. Rice transcription factor MADS32 regulates floral patterning through interactions with multiple floral homeotic genes. *J Exp Bot*. 2021, 72(7):2434-2449. (*通讯作者)
- (7) **Yuan Z^{*}**, Persson S, Zhang DB. Molecular and genetic tools to change spikelet development and grain yield. *aBIOTECH*. 2020, 1: 276-292. (*通讯作者)
- (8) Biswas S, Tian JQ, Li R, Chen XF, Luo ZJ, Chen MJ, Zhao XX, Zhang DB, Persson S, **Yuan Z^{*}**, Shi JX^{*}. Investigation of CRISPR/Cas9-induced *SD1* rice mutants highlights the importance of molecular characterization in plant molecular breeding. *J Genet Genomics*, 2020, 47(5): 273-280. (*并列通讯作者).
- (9) Tian JQ, Cao LC, Chen XF, Chen MJ, Zhang P, Cao LM, Persson S, Zhang DB, **Yuan Z^{*}**. The OsJAZ1 degron modulates jasmonate signaling sensitivity during rice development. *Development*. 2019, 146: dev173419. (*通讯作者)
- (10) Yang J, **Yuan Z**, Meng Q, Huang G, Périn C, Bureau C, Meunier AC, Ingouff M, Bennett M, Ao P, Liang WQ^{*}, Zhang DB^{*}. Dynamic regulation of auxin response during rice development revealed by newly established hormone biosensor markers. *Front Plant Sci*. 2017, 8, 256.
- (11) Ferguson AC, Pearce S, Band LR, Yang C, Ferjentsikova I, King J, **Yuan Z**, Zhang D, Wilson ZA. Biphasic regulation of the transcription factor *ABORTED MICROSPORES (AMS)* is essential for tapetum and pollen development in Arabidopsis. *New Phytol*. 2017, 213(2): 778-790.
- (12) Hu CY, Li QL, Shen XF, Quan S, Lin H, Duan L, Wang YF, Luo Q, Qu GR, Han Q, Lu Y, Zhang DB, **Yuan Z^{*}**, Shi JX^{*}. Characterization of factors underlying the metabolic shifts in developing kernels of colored maize. *Sci Rep*. 2016, 6:35479. (*并列通讯作者)

- (13) Li QL, Zhang DB, Chen MJ, Liang WQ, Wei JJ, Qi YP, **Yuan Z***. Development of japonica photo-sensitive genic male sterile rice lines by editing *carbon starved anther* using CRISPR/Cas9. *J Genet Genomics*, 2016, 43: 415-419. (*通讯作者)
- (14) Fan W, Zong J, Luo ZJ, Chen MJ, Zhao XX, Zhang DB, Qi YP, **Yuan Z***. Development of a RAD-seq based DNA polymorphism identification software, AgroMarker Finder, and its application in rice marker-assisted breeding. *PLOS ONE*, 2016, 11(1):e0147187. (*通讯作者)
- (15) **Yuan Z**, Zhang DB*. Roles of jasmonate signalling in plant inflorescence and flower development. *Current Opinion in Plant Biology*, 2015, 27: 44-51.
- (16) Hu Y, Liang WQ, Yin CS, Yang XL, Ping BZ, Li AX, Jia R, Chen MJ, Luo ZJ, Cai Q, Zhao XX, Zhang DB, **Yuan Z***. Interactions of OsMADS1 with floral homeotic genes in rice flower development. *Molecular Plant*, 2015, 8(9): 1366–1384. (*通讯作者)
- (17) Lü Y, Cui X, Li R, Huang P, Zong J, Yao D, Li G, Zhang DB, **Yuan Z***. Development of genome-wide insertion/deletion markers in rice based on graphic pipeline platform. *Journal of Integrative Plant Biology*, 2015, 57(11): 980-991. (*通讯作者)
- (18) Wang H, Zhang L, Cai Q, Hu Y, Jin Z, Zhao X, Fan W, Huang Q, Luo Z, Chen M, Zhang D, **Yuan Z***. OsMADS32 interacts with B-function proteins and regulates rice flower development. *Journal of Integrative Plant Biology*, 2015. 57(5):504-513. (*通讯作者)
- (19) Cai Q*, **Yuan Z*** (并列第一), Chen MJ, Yin CS, Luo ZJ, Zhao XX, Liang WQ, Hu JP and Zhang DB. Jasmonic Acid Regulates Spikelet Development in Rice. *Nature Communications*. 2014, 5: 3476.
- (20) Zhang DB, **Yuan Z**. Molecular Control of Grass Inflorescence Development. *Annual Review of Plant Biology*. 2014, 65. 49-55.
- (21) Li H[#], **Yuan Z**[#] (并列第一), Vizcay-Barrena G, Yang C, Liang W, Zong J, Wilson ZA, Zhang DB[†]. *PERSISTENT TAPETAL CELL 1 (PTCI)* Encodes a PHD-Finger Protein That Is Required for Tapetal Cell Death and Pollen Development in Rice. *Plant Physiology*, 2011, 56 (2), 615-630.
- (22) Sun Y, Yang Y, **Yuan Z**, Müller JL, Yu C, Xu YF, Shao XH, Li XF, Decker EL, Reski R, Huang H. Overexpression of the *Arabidopsis* gene *UPRIGHT ROSETTE* reveals a homeostatic control for indole-3-acetic acid (IAA). *Plant Physiology*,

2010, 153(3): 1311-1320.

- (23) Xu J, Yang C, **Yuan Z**, Zhang DS, Gondwe MY, Ding ZW, Liang WQ, Wilson Z and Zhang DB. The *ABORTED MICROSPORES* Regulatory Network Is Required for Postmeiotic Male Reproductive Development in *Arabidopsis thaliana*. *The Plant Cell*. 2010, 22(1): 91–107.
- (24) **Yuan Z**, Gao S, Xue DW, Luo D, Li LT, Ding SY, Yao X, Wilson Z, Qian Q and Zhang DB. *RETARDED PALEA1 (REPI)* Controls Palea Development and Floral Zygomorphy in Rice. *Plant Physiology*, 2009, 149(1): 235–244.
- (25) Zhang DS, Liang WQ, **Yuan Z**, Li N, Shi J, Wang J, Liu YM, Yu WJ, Zhang DB. *Tapetum Degeneration Retardation* is critical for rice pollen wall development. *Molecular Plant*, 2008, 1(4):599-610.
- (26) **Yuan Z**, Yao X, Zhang DB, Sun Y and Huang H. Genome-wide expression profiling in seedlings of the *Arabidopsis* mutant *uro* that is defective in the secondary cell wall formation. *Journal of Integrative Plant Biology*, 2007, 49(12): 1754-1762. (封面文章)
- (27) Xiao DX, **Yuan Z***. Embryogenesis and seed development in *Sinomanglietia glauca*. *J of Plant Res*, 2006, 119:163-166. (*通讯作者)
- (28) Chen MJ, **Yuan Z** (并列第一) and Huang H. *DELAYED FLOWERING*, an *Arabidopsis* gene that acts in the autonomous flowering promotion pathway and is required for normal development. *Journal of Integrative Plant Biology*, 2006, 48(1): 27-34.
- (29) Jiang D, Yin C, Yu A, Zhou X, Liang W, **Yuan Z**, Xu Y, Yu Q, Wen T, Zhang D. Duplication and expression analysis of multicopy miRNA gene family members in *Arabidopsis* and rice. *Cell Research*, 2006, 16(5):507-518.
- (30) Guo YL, **Yuan Z** (并列第一), Sun Y, Liu J and Huang H. Characterizations of an *Arabidopsis* mutant, *upright rosette*, reveal that the *UPRIGHT ROSETTE* gene is involved in auxin action in plant development. *Journal of Integrative Plant Biology*, 2004, 46: 846-853. (封面文章)

- (31)刘宜林, 范均怡, 陈晓菲, 徐淑月, 张大兵, 袁政*. *OsAP2-4* 调控水稻分蘖功能的初步研究. *植物生理学报*, 2022, 58(5): 817-824. (*通讯作者)
- (32)范均怡, 陈晓菲, 林参, 沈舟远, 张大兵, 袁政*. euAP2 类转录因子在水稻花器官发育中功能的初步研究. *植物生理学报*, 2020, 56(5): 939-948. (*通讯作者, 封面论文)
- (33)吴迪, 袁政*, 张大兵*. 水稻小穗器官发生分子调控机制的研究进展. *生命科学*, 2018, 30(11): 1173-1183. (*通讯作者)
- (34)顾伟航, 田佳琪, 朱明超, 文正怀, 严卫古, 王兴龙, 张大兵, 袁政*. 利用分子标记对‘淮稻5号’进行品种真实性鉴定. *植物生理学报*, 2018, 54(2): 265-272. (*通讯作者)
- (35)鲁丹, 王丽, 宋凡, 陶菊红, 张大兵, 袁政*. 水稻 *OsJMJ718* 基因可选择性多聚腺苷酸化序列的克隆及生殖发育期表达模式分析. *植物学报*, 2018, 53(5): 594-602. (*通讯作者)
- (36)宋凡, 李全林, 鲁丹, 王丽, 袁政*. 利用 CRISPR-Cas9 系统进行水稻 *OsMADS15* 基因定向编辑的研究. *植物生理学报*, 2017, 53(6): 969-978. (*通讯作者)
- (37)李全林, 王义发, 韩晴, 袁政*, 沈雪芳*. 糯玉米‘沪五彩花糯1号’品系特异性 2b-RAD 分子标记的开发及应用. *植物生理学报*, 2016, 52(5): 669-677. (*通讯作者)
- (38)于燕杰, 张大兵, 袁政*. WOX 蛋白家族调控干细胞发育分子机制的研究进展. *植物学报*, 2016, 51(4): 565-574. (*通讯作者)
- (39)靳振明, 平宝哲, 沈浩珺, 杜淮清, 李瑞乾, 朱璐, 张大兵, 袁政*. 水稻脆秆突变体 *bc-s1* 的表型分析和基因定位. *植物学报*, 2016, 51(2): 167-174. (*通讯作者)
- (40)沈卫平, 蔡强, 周锋利, 张建中, 张大兵, 袁政*. 植物激素调控水稻花器官发育分子机制的研究进展. *植物生理学报*, 2015, 51(5): 593-600. (*通讯作者)
- (41)王环环, 蔡强, 陈明姣, 罗治靖, 张大兵, 袁政*. 水稻花器官突变体 *apl* (*abnormal palea and lodicules*) 的表型分析与基因初定位. *植物学报*, 2014, 49(1): 1-7. (*通讯作者, 封面论文)
- (42)罗治靖, 沈卫平, 陈明姣, 梁婉琪, 陆建中, 张建中, 刘康, 张大兵, 袁政

*。粳稻淡黄色叶雄性不育系金汇 A 的选育。《杂交水稻》, 2013, 160(03) : 15-17。(*通讯作者)

- (43) 李凌, 田麟, 王涛涛, 蒋其根, 罗治靖, 陈明姣, 张建中, 张大兵, 袁政*。
优质稻米‘青香软粳’低直链淀粉含量形成分子机制的初步研究。《植物生理学报》, 2012, 48 (2): 147-155。(*通讯作者, 封面文章)

2) 专著

- (1). **Yuan Z***, Zhang DB*. Floral organ specification. In Ma H, eds, Regulation of Plant Development. Springer New York, New York, NY, 2020. (under printing, *通讯作者)
- (2). Gu WH, Zhang DB, Qi YP, **Yuan Z***. Generating Photoperiod-Sensitive Genic Male Sterile Rice Lines with CRISPR/Cas9, in *Plant Genome Editing with CRISPR Systems: Methods and Protocols*, Y. Qi, Editor. 2019, Springer New York: New York, NY. p. 97-107. (*通讯作者)
- (3). Zhang DB, **Yuan Z**, An G, Dreni L, Hu JP, Kater MM. in *Panicle Development, in Genetics and Genomics of Rice*, Q. Zhang and R.A. Wing, Editors. 2013, Springer New York. p. 279-295.
- (4). 《植物生理学》, 江西高校出版社 2019-12-1, 主编: 程建峰, 副主编: 袁政、马为民。

6、奖励

- 1) **袁政**, 上海交通大学烛光奖, 二等奖, 2018 年。
- 2) 张大兵、梁婉琪、许杰、**袁政**, 植物花药绒毡层细胞死亡和花粉外壁建成的分子机制, 教育部自然科学奖, 一等奖, 2017 年, 2017-029, 教育部。
- 3) **袁政**, 上海交通大学“致远荣誉教师”称号, 2017 年。
- 4) **袁政**, 上海交通大学“唐立新优秀学者奖”, 2017 年。
- 5) **袁政**, 上海交通大学“SMC-晨星优秀青年教师 (A 类计划)”, 2016 年。
- 6) 张霞、闫晓梅、郑有丽、秦敏君、**袁政**、张萍、丛峰松、梁婉琪、余婧、罗倩、曹阳、陈峰, 拔尖人才培养模式在生命科学实验教学中的探索、实践及推广应用, 上海交通大学 2016 年度教学成果奖, 二等奖, 2016 年。

- 7) 张大兵, 刘成良、蔡润、杨洪全、梁婉琪、**袁政**等, 创新人才推进计划重点领域创新团队(植物生殖发育和光温互作机理创新团队), 中华人民共和国科学技术部, 第 2014RA4021 号, 2015 年。
- 8) 张大兵、潘良文、杨立桃、李想、梁婉琪、褚庆华、郭金超、张舒亚、**袁政**、尹长松、石建新、吕蓉, 水稻、玉米、油菜转基因产品内标准基因检测方法 & 标准化, 上海市科学技术进步奖, 一等奖, 2012 年, 20124022-1-R09, 上海市人民政府。

7、发明专利

- 1) 梁婉琪, 林森, 刘泽, 张大兵, **袁政**, 陈明姣, 雄性不育基因 HSP60-3B 及其应用和育性恢复的方法, 2022-1-24, 中国, 2022100801377。
- 2) 梁婉琪, 薛飞洋, 张大兵, 陈明姣, **袁政**, 雄性不育基因 OsALKBH5 及其应用和育性恢复的方法, 2021-12-27, 中国, 2021116121985。
- 3) **袁政**, 张大兵, 李思齐, 曹丽春, 梁婉琪, 水稻茉莉素生物传感器 J6V-HM 的构建及应用, 2021-9-3, 中国, 202111030052.X。
- 4) 梁婉琪, 张大兵, 张鹏, 何漪, **袁政**, 穗型相关基因 OsFRS5 及其应用和表型恢复的方法, 2020-9-3, 中国, 202010915879.8。
- 5) 梁婉琪, 张大兵, 汪冲, 李焕军*, **袁政**, 雄性不育基因 OsNIN5 的应用及育性恢复的方法, 2019-12-11, 中国, 2019112267383.3。
- 6) 梁婉琪, 赵国超, 张旭*, 张大兵, **袁政**, 陈明姣, 雄性不育基因 OsDAF1 的应用及恢复水稻雄性不育的方法, 2019-5-5, 中国, 20191036786.6。
- 7) 刘成良, 林可, 贡亮, 吴伟, **袁政**, 张大兵, 基于轮廓信息多尺度分析的稻穗粒无损计数方法与系统, 2018-3-13, 中国, ZL201810206022.1。
- 8) 梁婉琪, 张大兵, 徐大伟*, **袁政**, 雄性不育基因 OsDPW3 的应用及水稻育性恢复的方法, 2017-11-28, 中国, ZL201711218585.4。
- 9) 梁婉琪, 张大兵, 杨丽, **袁政**, 陈明姣, 罗治靖, TFN 基因的应用及恢复 TFN 基因缺失导致水稻雄性不育的方法, 2017-11-28, 中国, ZL201711218597.7。
- 10) 刘成良, 吴林立梓, 贡亮, 马志宏, 周斌, 毛雨晗, 张大兵 **袁政**, 采用抽吸方式固定谷穗的装置及使用方法, 2016-8-31, 中国, ZL201610794778.3。

- 11) 刘成良, 吴林立梓, 贡亮, 马志宏, 周斌, 王一泽, 张大兵, **袁政**, 采用磁力密封方式的谷穗吸附固定装置及使用方法, 2016-8-31, 中国, ZL201610794757.1。
- 12) 梁婉琪、张大兵、徐大伟、**袁政**、陈明姣、罗治靖, 雄性不育基因 OsDPW2 的应用及水稻育性恢复的方法, 2016-5-27, 中国, ZL201610362598.8。
- 13) 张大兵、**袁政**、李全林、梁婉琪、陈明姣、罗治靖, 水稻 OsCSA 基因的定点敲除系统及其应用, 2016-3-16, 中国, ZL201610151129.1。
- 14) 张大兵、梁婉琪、余君萍、**袁政**、陈明姣、罗治靖, 水稻温敏雄性不育基因 TMS10 的应用及育性恢复方法, 2016-3-14, 中国, ZL201610143681.6。
- 15) 张大兵、梁婉琪、何漪、**袁政**, 水稻生殖发育基因 MMD2 的应用及恢复水稻雄性不育的方法, 2016-3-8, 中国, ZL201610131329.0。
- 16) 刘成良, 张经纬, 贡亮, 陈前里, 赵帅, 张大兵, **袁政**, 植物株高田间测量装置与方法, 2016-2-23, ZL201610099713.7。
- 17) 张大兵、吕阳、**袁政**、罗治靖、陈明姣, 基于 InDel 标记的杂交稻品种交源优 69 的鉴定方法, 2017-8-1, 中国, ZL201510171095.8。
- 18) 张大兵, 牛宁宁*, 罗治靖, 陈明姣, 袁政, 梁婉琪, 水稻雄性不育株系创制的方法及其用途, 2012-6-29, 中国, ZL201210223656.0。
- 19) 张大兵、牛宁宁、罗治靖、陈明姣、**袁政**、梁婉琪, EAT1 基因的应用及恢复 EAT1 基因缺失导致水稻雄性不育的方法, 2015-10-14, 中国, ZL201310383378.X。
- 20) 梁婉琪、张大兵、王文斐、罗治靖、陈明姣、**袁政**, DWT1 基因的应用及恢复 DWT1 基因缺失导致水稻矮秆的方法, 2015-10-14, 中国, ZL201310382925.2。
- 21) 张大兵、石晶、谭何新、梁婉琪、**袁政**, 具有 OsMS2 基因的载体及应用, 2014-7-2, 中国, ZL201110102884.8。
- 22) 张大兵、梁婉琪、袁政、张辉, 基于水稻的 *osms4* 突变体的制种、繁种及两系杂交育种方法, 2014-4-16, 中国, ZL201110431162.7。
- 23) 梁婉琪、张大兵、王文斐、罗治靖、陈明姣、**袁政**, 水稻矮秆株系创制的方法及其用途、恢复矮秆性状的方法, 2013-11-20, 中国, ZL201210086493.6。

- 24) 张大兵、李晖、梁婉琪、**袁政**，具有 *CYP704B2* 基因的载体的应用，2013-11-6，中国，ZL201110101915.8。
- 25) 张大兵、牛宁宁、罗治靖、陈明姣、**袁政**，梁婉琪，水稻雄性不育株系种子的制备方法、繁殖方法及其应用，2013-9-25，中国，ZL201110431162.7。
- 26) 张大兵、李晖、梁婉琪、**袁政**，具有雄性不育基因 *TCL* 的载体的应用，2013-8-21，中国，ZL201110101911.X。
- 27) 张大兵、米华玲、时楠、梁婉琪、**袁政**，提高水稻钾离子外排逆向转运的方法，2013-5-1，中国，ZL201110161173.8。
- 28) 张大兵、谭何新、梁婉琪、**袁政**，水稻 *OsMS5* 基因及其编码的蛋白，2012-3-7，中国，ZL200910309327.6。
- 29) 张大兵、张辉、梁婉琪、**袁政**，调控温光敏核不育的蛋白编码序列，2010-4-14，中国，ZL200710172593.X。
- 30) 张大兵、李娜、刘海生、张大生、**袁政**，控制水稻绒毡层降解的蛋白编码序列，2009-8-19，中国，ZL200610027399.8。

8、实用新型专利

- 1) 王一泽，杨后乐，王文辉，代山，贡亮，刘成良，周斌，马志宏，毛雨晗，张大兵，**袁政**，基于运动分解的模块化设施农业物流系统，2016-8-23，中国，ZL201620928634.8。
- 2) 王一泽，杨后乐，王文辉，代山，贡亮，刘成良，周斌，马志宏，张大兵，**袁政**，毛雨晗，基于 Android 系统的便携式全自动作物种子性状分析仪，2016-3-30，中国，ZL201620259293.X。